

レーザーラマンマイクロスコープ (レニショー, inVia Reflex)

操作手順書

横浜国立大学機器分析評価センター



この手順書の最新版は、上のQRコードからも参照できる機器分析評価センターラマン装置のページ

https://www.iac.ynu.ac.jp/item_search/machine_list/raman_invia

よりダウンロードできます。

作成日	2022年5月20日
手順書 No.	inVia Reflex – ver.5.2.220520
作成	高梨 基治

目次

1. 概要	2
2. 装置	2
2-1. 仕様	2
2-2. 外観	4
3. 起動	5
4. 波数校正	5
4-1. サンプル導入	5
4-2. レーザー照射位置の調整	6
4-3. 標準サンプルの測定	6
4.4. ピーク位置の校正	7
5. サンプルの測定	7
5-1. サンプルの性状ごとの作成方法	7
5-2. サンプルの観察	8
5-3. 測定設定	10
6. データの保存	13
7. 分析	13
8. データの持ち帰り	14
9. 終了	14

1. 概要

光を物質に照射すると、分子振動等に応じてエネルギーがシフトしたラマン散乱光を生じます。ラマン散乱光は分子構造によって特徴的なシフトをするため、このスペクトルから分子構造を知る手がかりとすることができます。

エネルギーシフトの単位は、一般的に馴染みのある波長ではなく、波長の逆数をとった波数(cm^{-2})のシフト量が一般的に使われます。文献等でスペクトルを参照する場合は、横軸が右に行くほど大きくなるものと小さくなるものがあるので注意が必要です。

分子振動による光の吸収を測定する装置である赤外分光装置は、ラマン装置と似た情報を取得しますが、C=Cのような対称の官能基ではラマンが強く、C=Oのような非対称の官能基では赤外分光が強く出るなど、官能基による感受性が相補的になっています。

2. 装置

2-1. 仕様

光源のレーザー波長

532 nm (グリーン): 最大 500mW

785 nm (赤外, 532nm では蛍光が出て測定できないとき用): 最大 500mW

対物レンズ

倍率 / NA	W.D. (mm)	強度比
100X / 0.85	0.33	300
50X / 0.75	0.5	400
20X / 0.40	1.15	100
長焦点 5X / 0.12	14	100
長焦点 50X / 0.50	8.2	5

分解能

平面分解能：1 μm (100x 対物レンズ), 深さ分解能：2 μm (共焦点モード)

その他のオプション

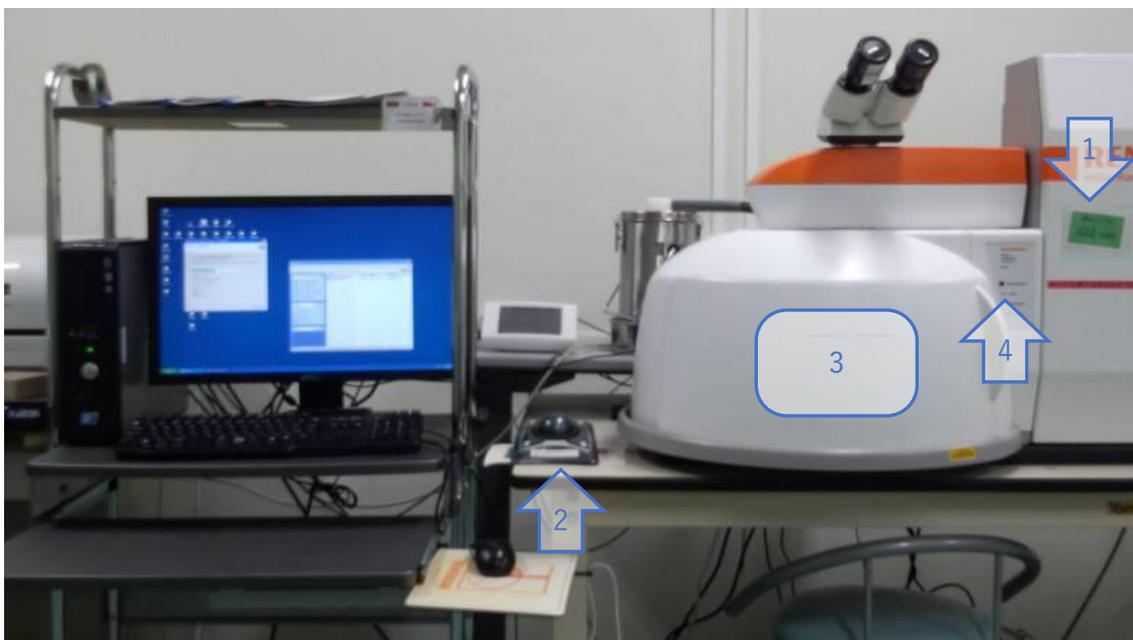
マッピング機能 (面、深さ)

温度コントロール (-196°C(液体窒素) ~ 600°C)

共焦点モード(グリーンレーザーのみ)

偏光

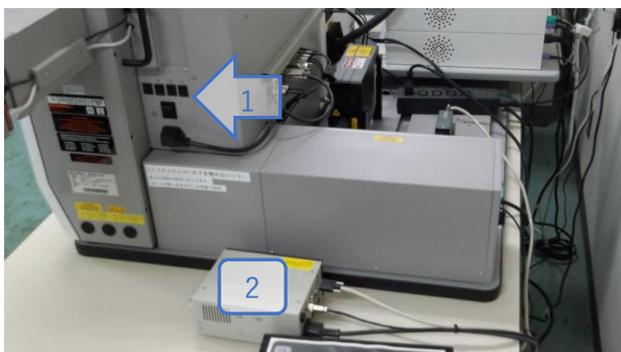
2-2. 外観



本体前面

1. 対応レーザー波長 : 現在対応しているレーザー波長を掲示しています。
2. ステージコントローラー : 顕微鏡のステージとフォーカスを移動します。
3. 遮光ボックス : この中に顕微鏡が入っていて、サンプルをセットします。
4. ドアリリースボタン : 遮光ボックスの蓋を開ける前に押します。

本体右側



1. 本体スイッチ
2. グリーンレーザー電源
3. グリーンレーザー電源スイッチ
4. グリーンレーザー発振スイッチ

3. 起動

起動は、作業効率と正常に動作させるため、以下の手順で行ってください。

1. 部屋入り口の使用者掲示を書く。
2. PC の電源、本体の電源、レーザーの電源を順に入れる。
3. Windows にログインする。ユーザー名は「raman」パスワードも「raman」。
4. 測定アプリケーションの「**WIRE**」を起動する。モーターリファレンスオプションのダイアログが出たら、何も変更せず **OK** を押す。
 - ・ ここで、アプリケーションとレーザーの立ち上がりに 1 分くらい待つ。
5. アプリケーションが立ち上がったら、レーザー電源の **Enable** ランプを確認してから発振スイッチを **On** にし、**Stable** ランプを確認する。

4. 波数校正

サンプルを測定する前に、標準サンプルを測定することにより波数校正を行います。

標準サンプルは、シリコン単結晶の (100) 面で、ラマン波数 520.5cm^{-1} なので、この波数が $520\sim 521\text{cm}^{-1}$ と測定されるように調整します。

4-1. サンプル導入

まず遮蔽ボックスを開けますが、扉を開く前にドアリリースボタンを押してください。このボタンを押すことで、レーザーを閉じて、ボックス内の照明を点灯します。

遮蔽ボックスの中に標準サンプルが置いてあるので、これを顕微鏡のステージにセットします。ステージには爪で支えてしっかり固定するエリアと、ラフに置くエリアがあり、マッピングをしない場合はラフで構いません。

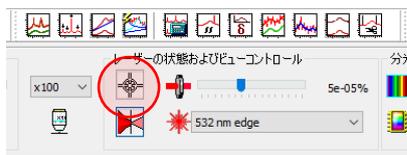
対物レンズは何でも構いませんが、いちばん扱いやすい 20x がおすすめです。20x レンズの WD は 1.15mm なので、サンプルとレンズの間隔を 1mm くらいにセットして、**間隔を離すようにして**、フォーカスを合わせます。

このステージは、手動では X-Y 移動が微調整できないので、ステージコントローラー (4 ページ, 2-2. 外観) の 5x モードで位置合わせを行います。

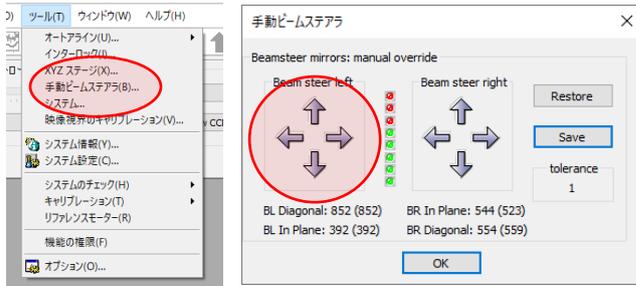
アプリケーション上でサンプルの画像を確認しながら、左手でステージコントローラーの X-Y 移動、右手でフォーカス調整を行うのと効率が良いでしょう。遮光ボックスを閉じた状態では、ステージコントローラーだけで調節します。

標準サンプルのような無地のサンプルはサンプル境界のようにコントラストのある部分でフォーカスを合わせてから、きれいな位置に視野を移動すると良いでしょう。

4-2. レーザー照射位置の調整



ツールバーから**照準マークのボタン**を押してレーザーを照射し、レーザーのスポットがクロスヘアの真ん中に来るように調整します。



メニューバーから **[ツール] - [手動ビームステアラ]** を選ぶと、調整用のダイアログが出るので、左ペインの矢印を操作してスポット位置を調整し、OK を押します。

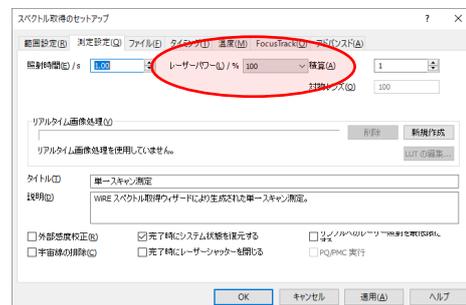
4-3. 標準サンプルの測定

三角フラスコと直線定規のあるボタンを押して、測定条件の設定をします。



波数校正で設定する条件はレーザーパワーだけです。

[測定設定] のタブを開いて、**[レーザーパワー]** を **5%** にします。標準サンプルは熱に強いサンプルですが、レーザーパワーが強すぎると信号が飽和してうまくピークを測定できません。

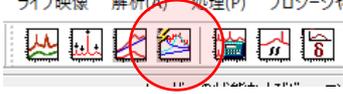
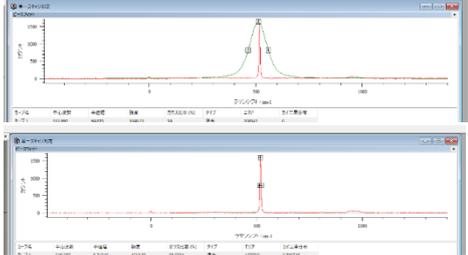


設定が終わったらツールバーから**実行ボタン**(再生ボタンのマーク)を押して測定します。



4.4. ピーク位置の校正

測定が終わると 520cm^{-2} 付近にピークのある波形が表示されますが、このピークの波数位置を正確に確かめるために、次の手順でカーブフィットを行います。

1. ツールバーから、波形が3つ重なったような**カーブフィットのボタン**を押し、カーブフィットモードに入る。

2. ピークのあたりを**クリック**し、カーブを追加する。
3. スペクトル画面上で**右クリック**をし、コンテキストメニューから **【フィットの開始】** を選ぶ。

4. スペクトル画面下の表にピークの詳細が表示されるので、ピーク位置を読む。
5. メニューバーのツールから **【ツール】 - 【キャリブレーション】 - 【オフセット】** を選び、読んだピーク位置の **520.5cm^{-2}** からずれているおおよその量を入力する。
6. もう一度ツールバーから**カーブフィットのボタン**を押し、カーブフィットモードを抜ける。
7. オフセットで設定した値は単にモーターのオフセットで波数のオフセットに一致するものではないので、再び測定しピークの波数位置を確かめ、位置が **520 から 521cm^{-2}** に収まるまで繰り返します。

5. サンプルの測定

5-1. 性状ごとのサンプル作成方法

このラマン分光器で測定する試料の形態は以下のとおりです。

- ・ **粉や小さいもの**：通常の顕微鏡観察のためのプレパラートにする。
- ・ **大きなもの**：バルクのままサンプルステージにセットする。
- ・ **液体**：揮発性がなければホールスライドガラスに滴下、揮発性があればシャーレ（ガスが危険でないこと）や透明容器等に入れる。
- ・ **気体**：透明な容器に封入する。

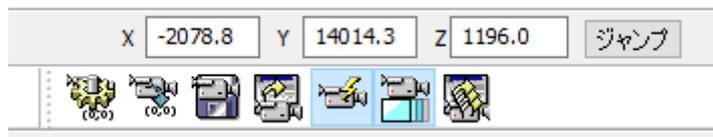
5-2. サンプルの観察

基本

サンプルとレンズを近づける方向へのフォーカス合わせは、試料がぼんやりとも観察できないくらいにフォーカスがっていない状態では、レンズの位置を目視しながら行ってください。

関連するツールバー

観察関連のツールバーは次の図のように右上にまとまっています。



X -2078.8 Y 14014.3 Z 1196.0 ジャンプ 現在の座標を表示しています。数値を入力

してジャンプもできますが、大きな移動では誤差が出る場合があるので、ステージコントローラーで移動することをお勧めします。



原点設定：現在の X, Y, Z 位置を原点にセットして、相対的な位置やフォーカスの変更をしやすくします。



原点へ移動：上で設定した原点に移動します。大きな移動では誤差が出る場合があるので、ステージコントローラーで移動することをお勧めします。



画面の保存：現在の顕微鏡像を保存します。

コツ

サンプルによっては、観察、フォーカス合わせがしづらいものがあります。

- ・ **表面が無地のサンプル**は、フォーカスをあわせる対象がないので、難しくなります。エッジ部分に視野を移してフォーカスを合わせてから観察したい部分に視野をあわせませす。
- ・ **鏡面のサンプル**では、サンプルに反射した対物レンズにフォーカスが合う場合があるので注意します。この場合 X-Y 移動しても視野が移動しないように見えます。
- ・ **暗いサンプル**は白色光を明るくしてなるべく見やすくします。それでも全く見れない場合はレーザーを照射してフォーカスをあわせませす。



- ・透明な液体や非常に暗くて**白色光源では見れないサンプル**は、レーザーを目視できる程度に強めに照射してフォーカスを確かめます。



- ・**透明なサンプル**や**揮発性のあるサンプル**は表面にフォーカスをあわせた後に、レンズを 100um ほど近づけると感度が良くなったり、安定した測定がしやすくなったりします。

トラブルシューティング

フォーカス合わせは事故の多い操作です。トラブルの起きたときは以下の対処をしてください。

レンズがサンプルにあたり、スライドガラスを破損した。

1. 怪我のないように、ビニル袋や不要な紙に破片を回収します。
2. 対物レンズに付着した破片を静かにキムワイプで払ってください。この時、決して拭かない事。
3. 別のキムワイプで、力を入れないで対物レンズを拭いてください。
4. センターの標準サンプルを破損した場合は報告してください。

液体のサンプルにレンズが当たった

- ✓ キムワイプで乾拭きした後、MilliQ 水をつけたキムワイプで拭き、最後にもう一度キムワイプで乾拭きをします。
- ✓ レンズは接着剤によって固定されているので、アルコールなどの有機溶媒は使用しないでください。
- ✓ レンズに液体が付着していても気づかない場合があります。レーザーのフォーカス像に不自然な歪みがあるようなら、レンズへの付着を疑ってみてください。

5-3. 測定設定



最初の測定と同じように、**三角フラスコと直線定規のあるボタン**を押して、測定条件の設定をします。

[範囲設定] タブのページ

- ・ **【グレーティングスキャンタイプ】** は、**【固定】** で中心波数から決まった範囲の波数範囲を測定するか、**【拡張】** で範囲の高低を指定して測定するかを設定します。まずは**【固定】**をお勧めします。**【拡張】**は時間がかかるので、測定点の目星をつけてから広い波数範囲を測定したい場合に指定すると良いでしょう。
- ・ **【スペクトル範囲】** は固定モードでは中心波数を指定します。測定範囲は波数によって変わるので、グレーで表示される高低を参考にします。
- ・ **【共焦点】** は、**【標準】** モードではフォーカスが合っていない前後の部分のラマン散乱光も測定しますが、**【共焦点】** モードでは、フォーカスが合っていない部分のラマン散乱光は測定しないようになるため、深さ分解能が必要な場合はチェックします。これを使用するときは**【アドバンスド】** タブのページにある **【ピンホール】** を **【イン】** にします。
- ・ 右下の設定は、現在の設定が自動で使われるので、基本的には変更する必要がありません。

[測定設定] タブのページ

スペクトル取得のセットアップ

範囲設定(R) 測定設定(Q) ファイル(F) タイミング(T) 温度(M) FocusTrack(Q) アドバンスド(A)

照射時間(E) / s 1.00 レーザーパワー(L) / % 100 積算(A) 1
対物レンズ(O) 100

リアルタイム画像処理(M)
リアルタイム画像処理を使用していません。
削除 新規作成 LUTの編集...

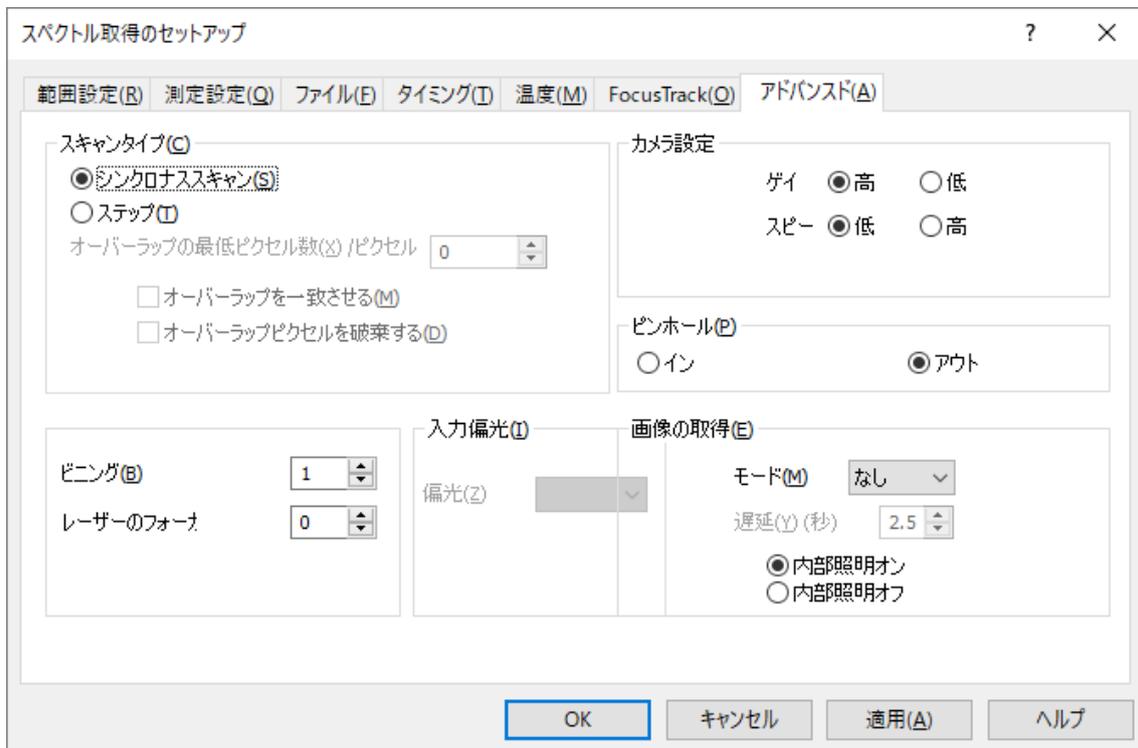
タイトル(T) 単一スキャン測定
説明(D) WIRE スペクトル取得ウィザードにより生成された単一スキャン測定。

外部感度校正(R) 完了時にシステム状態を復元する リンノルへのレーザー照射を返15%に
 宇宙線の排除(C) 完了時にレーザーシャッターを開じる PQ/PMC 実行

OK キャンセル 適用(A) ヘルプ

- ・ **【照射時間】** は長いほど感度が高く SN が上がりますが、信号が強くなりすぎて飽和したり、宇宙線(※)が入り込む可能性が高くなったりするので、あまり長くするのはお勧めしません。[グレーティングスキャンタイプ]を[拡張]で、[スキャンタイプ]を[シンクロナススキャン]を選んでいる場合は 10 秒以下にはできません。
 - ・ **【レーザーパワー】** は、サンプルが熱に強いかどうか、信号が強いかどうかを目安に設定します。熱に弱いサンプルなら 1%以下で試して破壊があればより弱く、なければより強く、また、照射時間が 1 秒で信号が飽和するのならやはりより弱くする必要があり、適切なパワーの設定には試行錯誤が必要です。
 - ・ **【積算】** は照射時間と似ていますが、1 秒 10 回と 10 秒 1 回では、10 秒 1 回の方が SN は高くできます。ただし、積算を何回繰り返しても飽和することがなく、宇宙線(※)排除のオプションも使いやすくなります。また、測定中の結果も表示されるので、サンプルが変性して波形が変わっていった場合気づきやすくなります。
 - ・ **【宇宙線の排除】** は、測定を 2 回余計に行うことにより、宇宙線(※)と思われるピークを自動で排除します。
- ※ **宇宙線**：この測定器は、ラマン光の検出に CCD を使っており、CCD に宇宙線が入り込むと、入った位置や角度によって不規則な波数位置や鋭さでピーク状のノイズが発生します。これは不規則に発生するので、スペクトルに見識があるか、複数回測定することにより排除することが可能です。

[アドバンスド] タブのページ



- ・ **【スキャンタイプ】** は、**【範囲設定】** タブのページの **【グレーティングスキャンタイプ】** で **【拡張】** を選んだ場合に、スキャン方法を指定します。
 - **【シンクロナススキャン】** は、グレーティング(回折格子)を徐々に傾けながら測定し、波形を滑らかにつなげます。ただし、照射時間は 10 秒以上しか選べません。
 - **【ステップ】** は、グレーティング(回折格子)を固定して測定して、その位置での測定が終わったら次の角度にグレーティングを傾けて測定します。波形はステップごとにエッジが見えますが、照射時間は自由です。
- ・ **【ピンホール】** は普段は **【アウト】** です。**共焦点モード** の場合は **【イン】** にする必要があります。

また、785nm のレーザーはピンホールがないと線形に広がった形状のため、**785nm レーザー** でスポット測定したいときも **【イン】** にします。

ピンホールは時間とともにずれが発生するため、使用には調整が必要な場合があります。

5-4. 測定の実行

再生ボタンのようなマークのある実行ボタンを押して測定を実行します。

6. データの保存

測定結果は保存しない限り次の測定で上書きされるので注意してください。

保存には、メニューバーから **[ファイル]** – **[名前を付けて保存]** を選び保存ダイアログを表示します。

ここで自分の研究室を選んでから、そのフォルダ内に適宜フォルダを作って保存します。

ファイル名のエディットボックスの下にファイル形式を選ぶ選択ボックスがあり、

- ・ **.wxd**: このアプリケーション用で各種測定設定が保存される
- ・ **.spc**: 一般的なスペクトルファイルで一部の測定設定が保存される
- ・ **.txt**: エクセル等でタブ区切りテキストとして読み込める

が選べます。まずは **wxd** で保存して、そのあとに必要とするファイル形式で保存することをお勧めします。

ファイル形式の変換は、測定アプリケーションから行うほかに、専用のアプリケーションで一括して行う方法もあります。詳しくはデスクトップにある一括変換をご覧ください。

また、測定設定で [ファイル] タブのページから保存オプションを選ぶことで、これらを自動で行うこともできます。ファイル名の融通が利きづらいですが、たくさん測定する場合などは活用してください。

7. 分析

以下のツールバーからボタンを押して、分析のためのオプションを実行します。



分析の主なツールは以下のとおりです。



宇宙線の削除: 測定中に入ってしまった宇宙線のカウントを対話形式で削除します。



ピークピック: 簡易にピークを検出して表示します。誤差があり、調節はできません。



ベースライン除去：ベースラインを削除し、弱い蛍光などの影響を排除します。



カーブフィット：測定された波形に対して、計算上の波形を割り当てて一致させることで、ピークの正確な位置や幅、高さなどを調べることができます。



トリミング：波形から両端の不要な範囲をカットします。

化学物質の検索

インターネット上にデータベースを使用してラマンスペクトルから化学物質を検索するサービスがあり、PublicSpectra (<https://publicspectra.com/>) にアカウントを作成すると、このサービスを受けられるようになります。ただし、このサービスは最初の 10 件は無料で、以降は 10 件につき 1 ドルを必要とし、支払にはクレジットカード情報が必要です。また、名称、化学式、CAS 番号での検索は無料で受けられます。(2022/2/4 現在)

スペクトルファイルはこのアプリケーションネイティブの wdf ではなく、標準的な spc か txt である必要があります。この方法はデータの保存を参照してください。

アカウントを作成しログイン後に Spectral Search を選び、スペクトルファイルをドラッグ&ドロップすることでスペクトルを送信し、Search ボタンを押すと検索します。

8. データの持ち帰り

データを持ち帰るには、窓口で貸し出している **セキュリティ USB メモリ** にデータをコピーし、窓口の PC で持参した USB メモリに移動します。

研究室に持ち帰る場合は当日中に返却してください。

9. 終了

終了は、**アプリケーション**の終了 → **PC** の終了 → **レーザー発振(キー)**のオフ → **レーザー電源**のオフ → **本体の電源**オフの順で行います。

使用簿に記入、部屋入口の**使用者掲示**を消します。

キムワイプ、手袋は廊下にあるごみ箱に捨てられます。

その他の不用品は研究室に持ち帰って処分してください。